

姓名	李梦	性别	女	
出生日期		职称	副教授	
学历	研究生	学位	博士	
毕业院校		学科专业	生物信息学	
任课名称	R 语言编程基础 (双语)、智慧园艺、科研基础训练、科技写作等			
电话		EMAIL	mli@njau.edu.cn	
个人情况	<p>研究方向</p> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. 果树等园艺作物的基因组学和生物信息学数据分析</li> <li>2. 全基因组关联分析方法及生物统计学和相关应用研究</li> </ol> <p>(研究总体上侧重于方法性研究和对于数据的深度挖掘, 就业形势良好。)</p> <p><b>欢迎报考硕士研究生, 欢迎本科生进组进行 SRT 和毕业论文研究。(本组本科生发表文章率 75%)</b></p>			
学习和工作经历	南京农业大学 生物信息学, 博士期间在康奈尔大学进修 18 个月			
科研项目	<p>主持项目:</p> <p>2021 年 中央高校基本科研业务费</p> <p>2017 年 江苏高校品牌专业建设工程资助项目</p> <p>2014 年 中国博士后科学基金面上资助</p> <p>2013 年 国家自然科学基金青年项目</p> <p>2013 年 南京农业大学青年科技创新基金</p> <p>同时, 作为主要参加人, 参与多个国家重大科技项目。</p>			
发表论文	<p>第一作者和通讯作者论文</p> <p>#同等贡献作者; *通讯作者</p> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. Li LL<sup>#</sup>, Tao ST<sup>#</sup>, Zhang HW, Huang WJ, Li M*(李梦): <b>Identification and characterization of the CCoAOMT gene family in apple, Chinese white pear, and peach. <i>Journal of the</i></b></li> </ol>			

*American Society for Horticultural Science*. 2021:1-12.

2. Zhang HW<sup>#</sup>, Li M<sup>#,\*</sup>(李梦), Kong M, Dunwell J, Zhang YY, Yue C, Wu JY, Zhang SL<sup>\*</sup>, : **Study on the differences of gene expression between pear and apple wild cultivation materials based on RNA-seq technique**. *BMC Plant Biol*.2021, 21: 256.
3. Li M<sup>\*</sup>(李梦), Dunwell J, Zhang H, Wei S, Li Y, Wu J, Zhang SL<sup>\*</sup>: **Network analysis reveals the co-expression of sugar and aroma genes in the Chinese white pear (*Pyrus bretschneideri*)**. *Gene* 2018, 677:370-377.
4. Li M(李梦), Liu XL, Bradbury P, Yu JM, Zhang YM<sup>\*</sup>, Todhunter RJ, Buckler ES, Zhang ZW<sup>\*</sup>: **Enrichment of statistical power for genome-wide association studies**. *BMC Biol* 2014, 12(1):1-10. (IF: 7.98, 2015)
5. Li M(李梦), Li L, Dunwell J, Qiao X, Liu X, Zhang SL<sup>\*</sup>: **Characterization of the *lipoxygenase (LOX)* gene family in the Chinese white pear (*Pyrus bretschneideri*) and comparison with other members of the Rosaceae**. *BMC Genomics* 2014, 15(1):1-12. (IF: 3.99, 2015)
6. Zhang WJ<sup>#</sup>, Niu Y<sup>#</sup>, Bu SH<sup>#</sup>, Li M<sup>#</sup>(李梦), Feng JY, Zhang J, Yang SX, Odinga MM, Wei SP, Liu XF, Zhang YM<sup>\*</sup>: **Epistatic association mapping for alkaline and salinity tolerance traits in the soybean germination stage**. *PLoS ONE* 2014, 9(1):e84750. (IF: 3.234, 2015)
7. Li C<sup>#</sup>, Li M<sup>#</sup>(李梦), Dunwell JM, Zhang YM<sup>\*</sup>: **Gene duplication and an accelerated evolutionary rate in 11S globulin genes are associated with higher protein synthesis in dicots as compared to monocots**. *BMC Evol Biol* 2012, 12(1):1-9. (IF: 3.407, 2013)
8. Liu G<sup>#</sup>, Li M<sup>#</sup>(李梦), Wen J, Du Y, Zhang YM<sup>\*</sup>: **Functional mapping of quantitative trait loci associated with rice tillering**. *Molecular Genetics and Genomics* 2010, 284(4):263-271. (IF: 2.635, 2011)
9. 温思为, 张黄伟, 岳超, 李梦<sup>\*</sup>: **10 种蔷薇科果树 *AAT* 基因家族鉴定、特性与表达分析**. *果树学报*, 2021, 38 (7):1029-1043.
10. 徐博文, 李乐跃, 李梦<sup>\*</sup>: **7 个蔷薇科物种 *HPL* 基因家族的鉴**

- 定和特性分析.果树学报, 2020, 37 (4):459-471. (中文核心)
11. 黄威剑,李梦\*: 果树全基因组测序现状与展望.园艺学报, 2021, 48(04):733-748. (中文核心)
  12. 李梦#, 林飞#, 黄菊#, 章元明\*: **QTL 精细定位影响因素的数学模型**. 中国农业科学, 2008, 41 (2) : 340-346. (中文核心)

其中指导本科生发表论文

- 1.Li LL#, Tao ST#, Zhang HW, Huang WJ, Li M\*(李梦):  
**Identification and characterization of the CCoAOMT gene family in apple, Chinese white pear, and peach.** *Journal of the American Society for Horticultural Science.* 2021:1-12. (SCI)
- 2.温思为, 张黄伟, 岳超, 李梦\*: **10 种蔷薇科果树 AAT 基因家族鉴定、特性与表达分析.** 果树学报, 2021, 38 (7) :1029-1043.
3. 徐博文, 李乐跖, 李梦\*: **7 个蔷薇科物种 HPL 基因家族的鉴定和特性分析.**果树学报, 2020, 37 (4):459-471. (中文核心)