

姓名	丁静	性别	女	
出生日期	1982.7	职称	副教授	
学历	研究生	学位	博士	
毕业院校	南京大学	学科专业	植物学	
任课名称	园艺植物生物技术及实验、蔬菜专题、园艺植物生物学大实验等			
电话		EMAIL	jding@njau.edu.cn	
学习和工作经历	<p>2000.09-2004.06 南京大学，生物科学与技术，学士</p> <p>2004.09-2009.09 南京大学，植物学，博士</p> <p>2007.09-2009.09 美国芝加哥大学，生态与进化系，联合培养博士</p> <p>2009.09-2012.05 南京大学生命科学学院，讲师</p> <p>2012.07-2012.12 南京农业大学园艺学院，讲师</p> <p>2013.01-至今 南京农业大学园艺学院，副教授</p> <p>以草莓和番茄为研究对象，开展以下方面的研究：(1) 植物激素及其信号途径调控果实发育与成熟的分子机制；(2) 无转基因 CRISPR/Cas 基因编辑技术的研发与在园艺作物中的应用；(3) 植物激素相关基因的进化及其在植物进化过程中的作用。</p>			
科研项目	<ul style="list-style-type: none"> • 国家自然科学基金面上项目，31972371，农杆菌介导的栽培草莓无转基因 CRISPR/Cas 编辑育种技术研发，2020.1-2023.12，主持。 • 江苏省农业科技自主创新资金项目，CX(21)3017，基于基因编辑的耐弱光草莓新种质创制，2021.7-2023.6，主持。 • 国家自然科学基金面上项目，31471860，细胞分裂素受体基因在果实发育中功能的研究，2015.1-2018.12，主持。 • 转基因生物新品种培育科技重大专项项目，2014ZX0801008B，保障转基因生物安全的外源基因清除技术研究，2014.1-2016.12，主持。 • 中央高校基本科研业务费自主创新重点项目，KYZ201309，悬铃木无花无果技术的研发，2013.5-2016.5，主持。 			
发表论文	<ol style="list-style-type: none"> 1. Wang X, Lin S, Liu D, Gan L, McAvoy R, Ding J[#] and Li Y[#]. Evolution and roles of cytokinin genes in angiosperms 1: Do ancient IPTs play housekeeping while non-ancient IPTs play regulatory roles? Hortic. Res. 2020, 7:28. 2. Wang X[*], Ding J^{*,#}, Lin S, Liu D, Gu T, Wu H, Trigiano RN, McAvoy RJ, Huang J, Li Y[#]. Evolution and roles of cytokinin genes in angiosperms 2: Do ancient CKXs play housekeeping 			

- roles while non-ancient CKXs play regulatory roles? *Hortic. Res.* 2020, 7:29.
3. Wang X, Lin S, Liu D, Wang Q, McAvoy RJ, **Ding J[#]** and Li Y[#]. Characterization and expression analysis of ERF genes in *Fragaria vesca* suggest different divergences of tandem ERF duplicates. *Front. Genet.* 2019, 10:805.
 4. Chen L^{*}, Li W^{*}, Katin-Grazzini L^{*}, **Ding J^{*}**, Gu X, Li Y, Gu T, Wang R, Lin X, Deng Z, McAvoy RJ, Gmitter FG Jr., Deng Z, Zhao Y, Li Y[#]. A method for the production and expedient screening of CRISPR/Cas9-mediated non-transgenic mutant plants. *Hortic. Res.* 2018, 5:13.
 5. Wang Y, Ding G, Gu T, **Ding J[#]**, Li Y[#]. Bioinformatic and expression analyses on carotenoid dioxygenase genes in fruit development and abiotic stress responses in *Fragaria vesca*. *Mol. Genet. Genomics* 2017, 292(4):895-907.
 6. Mi X, Wang X, Wu H, Gan L, **Ding J[#]**, Li Y[#]. Characterization and expression analysis of cytokinin biosynthesis genes in *Fragaria vesca*. *Plant Growth Regul.* 2017, 82: 139-149.
 7. Jiang Y, Mi X, Lin Y, Wu H, Gu T, **Ding J[#]**, Li Y[#]. Evolution and expression patterns of cytokinin oxidase genes in *Fragaria vesca*. *Sci. Hortic.* 2016, 212: 115-125.
 8. Yang Y, Jiang Y, Mi X, Gan L, Gu T, **Ding J[#]**, Li Y[#]. Identification and expression analysis of cytokinin response regulators in *Fragaria vesca*. *Acta Physiol. Plant.* 2016, 38:198.
 9. **Ding J[#]**, Duan H, Deng Z, Zhao D, Yi G, McAvoy R, Li Y[#]. Molecular strategies for addressing gene flow problems and their potential applications in abiotic stress tolerant transgenic plants. *Crit. Rev. Plant Sci.* 2014, 33:190-204.
 10. Tang P, Zhang Y, Sun X, Tian D, Yang S[#], **Ding J[#]**. Disease resistance signature of the leucine-rich repeat receptor-like kinase genes in four plant species. *Plant Sci.* 2010, 179(4):399-406.
 11. Li J^{*}, **Ding J^{*}**, Zhang W, Zhang Y, Tang P, Chen JQ, Tian D, Yang S[#]. Unique evolutionary pattern of numbers of gramineous

	NBS-LRR genes. Mol. Genet. Genomics 2010, 283(5):427-438.
*共同一作, #通讯作者	